

## INTRODUCCIÓN AL ANÁLISIS DE SECUENCIAS NGS

Al terminar la actividad el asistente podrá (descripción de objetivos de la actividad):

Manejar secuencias de ADN en distintos formatos y provenientes de distintas plataformas NGS  
 Ensamblar secuencias de novo  
 Mapear secuencias contra secuencias de referencia  
 Cuantificar la expresión génica  
 Identificar variantes en la secuencia  
 Anotar datos de secuencia  
 Manejar y visualizar los resultados

Conocimientos previos necesarios:

Conocimientos básicos en bioinformática a nivel usuario: Alinear secuencias, comparar secuencias en las bases de datos, etc. En caso contrario se recomienda realizar el curso Introducción a la bioinformática.

Temas a desarrollar:

- 1- Tecnologías de secuenciación
- 2- Limpieza de secuencias
- 3- Ensamblaje secuencias NGS
- 4- Mapeo de secuencias NGS
- 5- Identificación de SNVs
- 6- RNA-seq
- 7- Manejo de grandes ficheros de datos

Organizadores:

Responsable de actividad	JOAQUÍN CAÑIZARES SALES
Coordinador	JOSE MIGUEL BLANCA POSTIGO

Datos básicos:

Dirección web	<a href="http://bioinf.comav.upv.es/courses.html">http://bioinf.comav.upv.es/courses.html</a>
Tipo de curso	FORMACIÓN ESPECIFICA
Estado	TERMINADO
Duración en horas	32 horas presenciales

Dónde y Cuándo:

Dónde	VALÈNCIA
Horario	MAÑANA Y TARDE
Observaciones al horario	Lunes, martes, miércoles y jueves: 9:00-14:00 y 16:00-18:00 Viernes: 9:00-13:00
Lugar de impartición	Aula 2.5 CFP
Fecha Inicio	23/4/18
Fecha Fin	27/4/18

Datos de matriculación:	
Matrícula desde	6/2/18
Inicio de preinscripción	1/2/18
Mínimo de alumnos	12
Máximo de alumnos	24
Precio	270,00 euros
Observaciones al precio	270,00 € - Público en general
Profesorado:	
BLANCA POSTIGO, JOSE MIGUEL CANIZARES SALES, JOAQUÍN MONTERO PAU, JAVIER ZIARSOLO AREITIOAURTENA, PELLO	