



## INTRODUCCIÓN AL ANÁLISIS DE SECUENCIAS NGS

Al terminar la actividad el asistente podrá (descripción de objetivos de la actividad):

Manejar secuencias de ADN en distintos formatos y provenientes de distintas plataformas NGS  
Ensamblar secuencias de novo  
Mapear secuencias contra secuencias de referencia  
Cuantificar la expresión génica  
Identificar variantes en la secuencia  
Anotar datos de secuencia  
Manejar y visualizar los resultados

Conocimientos previos necesarios:

Conocimientos básicos en biología molecular y genética

Temas a desarrollar:

- 1- Tecnologías de secuenciación
- 2- Limpieza de secuencias
- 3- Ensamblaje secuencias NGS
- 4- Mapeo de secuencias NGS
- 5- Identificación de SNVs
- 6- RNA-seq
- 7- Manejo de grandes ficheros de datos

Organizadores:

Responsable de actividad	JOAQUÍN CAÑIZARES SALES
Coordinador	JOSE MIGUEL BLANCA POSTIGO

Datos básicos:

Dirección web	<a href="http://bioinf.comav.upv.es/courses.html">http://bioinf.comav.upv.es/courses.html</a>
Tipo de curso	FORMACIÓN ESPECIFICA
Estado	TERMINADO
Duración en horas	32 horas presenciales

Dónde y Cuándo:

Dónde	VALÈNCIA
Horario	MAÑANA Y TARDE
Observaciones al horario	Lunes, martes, miércoles y jueves: 9:00-14:00 y 16:00-18:00 Viernes: 9:00-13:00
Lugar de impartición	Aula 2.1 CFP. UPV
Fecha Inicio	6/05/19
Fecha Fin	10/05/19

Datos de matriculación:

Matrícula desde	26/02/19
Inicio de preinscripción	8/02/19
Mínimo de alumnos	15
Máximo de alumnos	24
Precio	270,00 euros
Observaciones al precio	270,00 € - Público en general

**Profesorado:**

BLANCA POSTIGO, JOSE MIGUEL  
CAÑIZARES SALES, JOAQUÍN  
ZIARSOLO AREITIOAURTENA, PELLO